SEQUENCE LISTING

<110>	Zhang, Yeyan Wilson, C. Ron Craft, David L. Eirich, L. Dudley Frayer, Robert	
<120>	USE OF POX4 PROMOTER TO INCREASE GENE EXPRESSION IN Candida tropicalis	
<130>	U0158 OS/OAPT (1010-93)	
	60/401,212 2002-08-05	
<160>	34	
<170>	PatentIn version 3.2	
<212>	18	
<220> <223>	primer	
_	1 aata accgtgtg	18
<210><211><212><212><213>	33	
<220> <223>	primer	
<400> ttaatt	2 aata tttcgggaga aatatcgttg ggg	33
<210> <211> <212> <213>	3 39 DNA Artificial Sequence	
<220> <223>	primer	

gataata	atcg tgtacagtca ttatgtcgtg aagatttga	39
<210> <211> <212> <213>	4 39 DNA Artificial Sequence	
<220> <223>	primer	
<400> ttctage	4 gagt tgttcaatca ttatgtcgtg aagatttga	39
<212>	5 39 DNA Artificial Sequence	
<220> <223>	primer	
<400> atctaa	5 cttg tctaaagcca ttatgtcgtg aagatttga	39
<210> <211> <212> <213> <220>	6 39 DNA Artificial Sequence	
	primer	
<400> tcaaat	6 cttc acgacataat gactgtacac gatattatc	39
<210><211><211><212><213>	27	
<220> <223>	primer	
<400>	7 aact gtgcccttgc attgtag	27

```
<210> 8
<211> 39
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> primer
<400> 8
tcaaatcttc acgacataat gattgaacaa ctcctagaa
                                                                    39
<210> 9
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> primer
<400> 9
                                                                    27
ttaattaagg cctcgcctct gatggag
<210> 10
<211> 39
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> primer
<400> 10
tcaaatcttc acgacataat ggctttagac aagttagat
                                                                    39
<210> 11
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
<220>
<223> primer
<400>
      11
                                                                    27
ttaattaact tgacgagctc cgacgac
<210> 12
<211> 16
<212> DNA
<213> Artificial Sequence
```

Ų.

<220> <223>	primer	
<400>	12	16
ytaaaa	cgac ggccag	10
<210> <211>	13 17	
<212>		
	Artificial Sequence	
\2137	Altiticial bequence	
<220>		
<223>	primer	
<400>	13	
caggaa	acag ctatgac	17
<210>	14	
<211>		
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
	primer	
<400>		
agaaaggcac agggcaagac 20		
<210>	15	
<211>		
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
	primer	
<400>	15	
tgccac	caag aacactaccc	20
<210>	16	
<211>		
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer	

<400> gtaaaac	16 cgac ggccag	16
<210> <211> <212> <213>	17 17 DNA Artificial Sequence	
<220> <223>	primer	
<400> caggaaa	17 acag ctatgac	17
<210> <211> <212> <213>	18 21 DNA Artificial Sequence	
<220> <223>	primer	
<400> tcttatt	18 ttgg tgagtccgtg c	21
<210><211><211><212><213>		
<220> <223>	primer	
<400> cccaaga	19 aaac ttcagaatcg c	21
<210><211><211><212><213>	DNA	
<220> <223>	primer	
<400> tacaac	20 cttg gtggggtgtg tg	22

<210> <211> <212> <213>	17 DNA Artificial Sequence	
<220> <223>	primer	
<400> caggaa	21 acag ctatgac	17
<210> <211> <212> <213>		
<220> <223>	primer	
	22 gaag gtgacgacgg	20
<210><211><211><212><213>	23 20 DNA Artificial Sequence	
<220> <223>	primer	
	23 gttt gctcctgatg	20
<210><211><211><212><213>	24 22 DNA Artificial Sequence	
<220> <223>	primer	
<400> ccccat	24 tgag aggtttcgtt ag	22
<210><211><211><212><213>	25 22 DNA Artificial Sequence	

<223>	primer	
	25	0.0
gaatet	ctct ttctcccaac gc	22
<210> <211>		
<211>		
	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer	
<400>		
tttttt	tete tgtgettece ee	22
<210>	27	
<211>	22	
<212>		
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer	
<400>	27	
atcgtg	gata cgctggagtg tg	22
<210>	28	
<211>		
<212>	DNA	
<213>	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer	
<400>	28	<u> </u>
aacttg.	ttct ctggcaaact gtgg	24
<210>		
<211>		
<212>		
	Artificial Sequence	
<220>		
<223>	primer	

<400> 29 aactcgtcgg cattgtcggt ag	22
<210> 30 <211> 22 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> primer	
<400> 30 tttttttctc tgtgcttccc cc	22
<210> 31 <211> 22 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> primer	
<400> 31 atcgtggata cgctggagtg tg	22
<210> 32 <211> 24 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> primer	
<400> 32 aacttgttct ctggcaaact gtgg	24
<210> 33 <211> 22 <212> DNA <213> Artificial Sequence	
<220> <223> primer	
<400> 33 aactcgtcgg cattgtcggt ag	22

Arg Tyr Gln Glu Asp Val Trp 20